

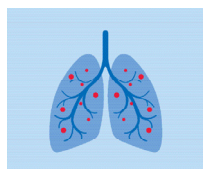
コラボ企画：国内受託トライアルキャンペーン

ウイルスゲノムや薬剤耐性遺伝子の NGSによる網羅的かつ高感度解析

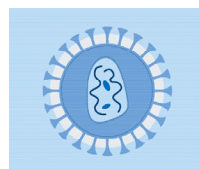
株式会社 キアゲンとのコラボによる 今だけ NGS 受託キャンペーン

QIAseq xHYB Viral and Bacterial Panels

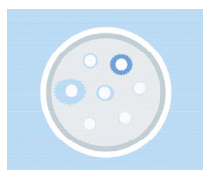
豊富なターゲットを含む 5 種類の NGS 用パネル



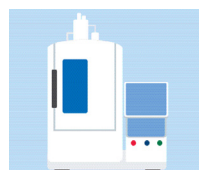
QIAseq xHYB Respiratory Panel
SARS-CoV-2、インフルエンザウイルス、エン
テロウイルスなど89種のウイルス



QIAseq xHYB Viral STI Panel
HBV、HIV-1、およびハイリスク型である 16
型と 18 型を含む19種のHPVウイルス



QIAseq xHYB AMR Panel
2,700 以上の AMR (薬剤耐性) 遺伝子



QIAseq xHYB Adventitious Agent Panel
ヒトアデノウイルス、ノロウイルス、ロタウイ
ルス、インフルエンザウイルス、SARS-CoV-2、
肝炎ウイルスなどを含む132種類のウイルス

*本製品はQIAseqFXDNA LibraryKitと合わせてご使用いただけます。



QIAseq xHYB MPXV Panel[†]
ITRを含むサル痘ウイルス(MPXV)全ゲノム

[†] 96サンプルサイズとスパイクインがあります。
受託条件については、お問い合わせください。



関連情報はこちら

www.qiagen.com/ja-us/products/next-generation-sequencing/metagenomics/targeted-metagenomics/qiaseq-xhyb-viral-and-bacterial-panels



期間限定!日本の受託会社による NGS 受託キャンペーン

是非、この機会に QIAseq xHYB のテクノロジーをお試しく下さい

2023年9月末受注分まで

クリニカルシーケンス、医薬品開発支援に豊富な実績!

キャンペーン価格参考例 50,000円/サンプル(税別)～

QIAseq xHYB Adventitious Agent Panelを用いた解析
バイオリアクターのウイルスコンタミなど、
医薬品製造における新しい品質管理をお手伝いします。

- 価格:55,000円(税別)/検体
(24検体1バッチでご依頼頂いた場合)
※参考定価:98,000円(税別)/検体
- ご提出検体:抽出済み核酸検体
※品質保証基準下での解析もご相談ください

QIAseq xHYB Respiratory Panelを用いた解析
呼吸器関連ウイルスの高感度な網羅的解析研究に。

- 価格:50,000円(税別)/検体
(48検体1バッチでご依頼頂いた場合)
※参考定価:90,000円(税別)/検体
- ご提出検体:抽出済み核酸検体

株式会社理研ジェネシス

お問い合わせ

TEL: 03-5759-6042

E-mail:info2@rikengenesys.jp

URL:<https://www.rikengenesys.jp/index.html>

QIAseq xHYB Viral and Bacterial Panels の特徴

- 網羅的解析が可能なターゲットを含むパネル
豊富なターゲットを含むパネルで網羅的解析が可能
- ハイブリッドキャプチャーによるターゲット濃縮
効率的なターゲット濃縮による検出感度向上
- rRNA 除去
QIAseq FastSelect テクノロジーによる rRNA へのリードのマッピングを最小限に
- マルチプレックス化によるハイスループット解析対応
UDI 対応の QIAseq FX DNA Library Kit と一緒に使用することで、最大384サンプルを同時解析
- 簡単なデータ解析
QIAGENCLC Genomics Workbench または 無償のクラウド解析ツールである GeneGlobe が対応

格段に高いターゲット遺伝子への効率的なリードのマッピング

Example: SARS-CoV-2 sequencing

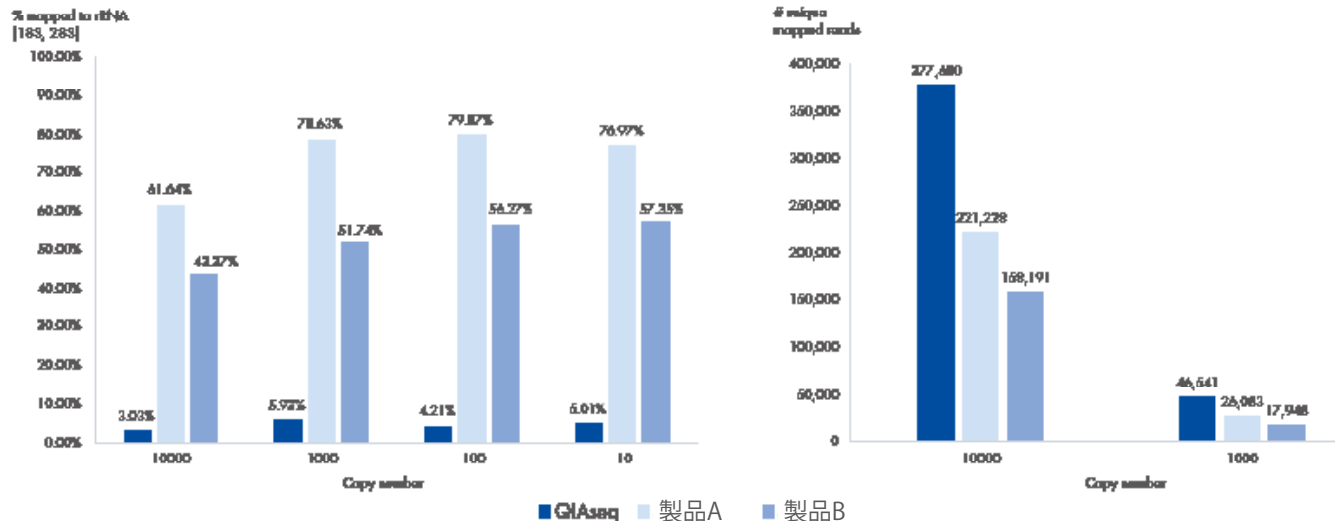


図1. QIAseq FastSelect テクノロジーによるrRNA除去効果

哺乳類用の rRNA とグロビン mRNA を除去するための QIAseq FastSelect テクノロジーを内蔵。製品A、製品Bと比較して、rRNA への低いマッピング率と、ターゲットである SARS-cov-2 への高いマッピング率を示す

ターゲットのウイルスゲノムを高濃度に濃縮

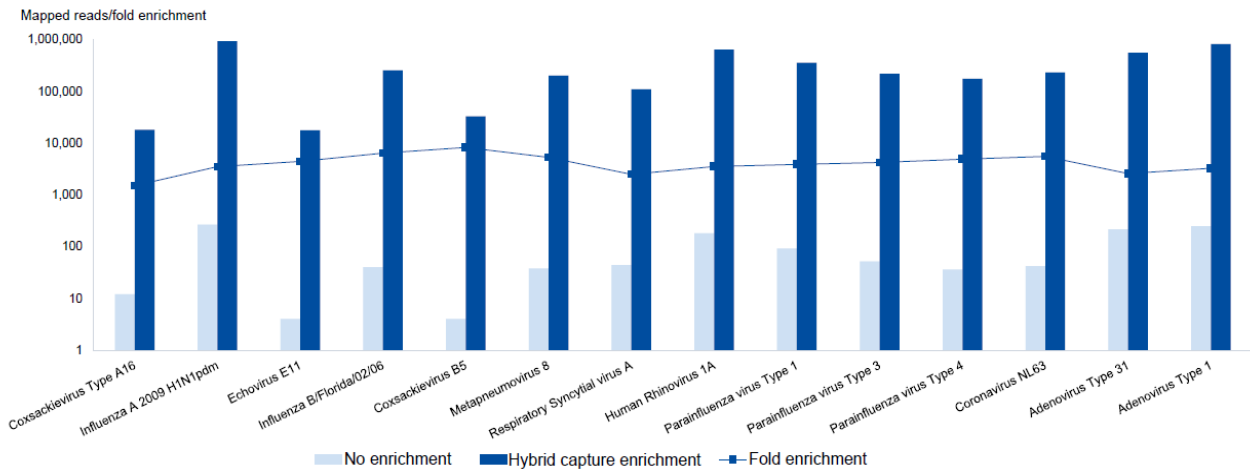


図2.呼吸器ウイルス分離株ゲノムの濃縮

QIAseq xHYB のハイブリッドキャプチャー技術でターゲットを濃縮することにより、ウイルス標的を平均 2400 倍に濃縮 (サンプルに依存)。標準的なショットガンシーケンスと比較して目的のウイルスゲノムへの高いマッピングを得た

同時に複数種のウイルス分離株ゲノムを均一にカバー

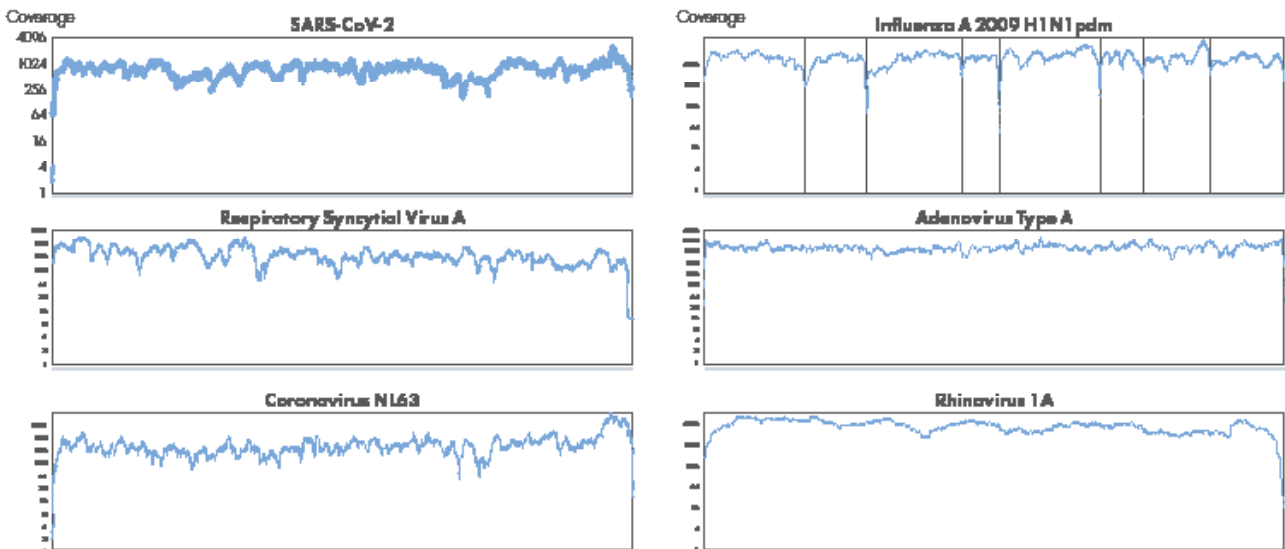


図3. 呼吸器ウイルス分離株ゲノムへの均一なマッピング

SARS-CoV2 や RS ウイルス、アデノウイルスなどの複数のウイルスゲノム全体の配列情報を取得された

本誌に示されたキャンペーン価格は、日本国内において適用されます。価格は消費税別表示です。本キャンペーンがお客様の購買ポリシーに反しないかを発注前にお客様自身でご確認ください。また、個別の受託条件については、受託会社様にご相談ください。記載の QIAGEN 製品は研究用です。疾病の診断、治療または予防の目的には使用することはできません。最新のライセンス情報および製品ごとの免責事項に関しては、ウェブサイト www.qiagen.com の "Trademarks and Disclaimers" をご覧ください。QIAGEN キットの Handbook および User Manual は www.qiagen.com から入手可能です。

Trademarks: QIAGEN®, Sample to Insight®, QIAseq®, FastSelect™ (QIAGEN Group) 本文に記載の会社名および商品名は、各社の商標または登録商標です。製品情報、仕様、カタログ番号 (Cat. no.)、価格等は予告なく変更する場合がございます。予めご了承ください。2302992 04/2023 © 2023 QIAGEN, all rights reserved.